

OpenFold3

× ソフトウェアの快適な動作に
お勧めのワークステーション



OpenFold3の主要な特徴



**商用利用が自由な
「完全オープンソース」**

Apache 2.0ライセンスを採用し、企業の機密データを用いた独自の再学習も可能です。



**多彩な分子の
「複合体予測 (Co-folding)」**

タンパク質だけでなく、核酸や薬物候補分子との結合構造を原子レベルで高精度に予測。



**産学連携による
強力なデータ基盤**

大手製薬企業が秘蔵データを提供し、共同で予測精度の向上とデータ不足の克服を推進。

比較項目	OpenFold3	AlphaFold3	Boltz-2
ライセンス	 Apache 2.0 (商用可)	 非商用限定 (一部制限)	 MIT (商用可)
予測対象	複合体 (タンパク/核酸/薬物)	複合体 (タンパク/核酸/薬物)	複合体 (タンパク/核酸/薬物)
主な強み	透明性とカスタマイズ性	業界最高水準の精度	高い物理的妥当性



RNA構造予測でAlphaFold3に匹敵
特定のモダリティでは既存の最高峰モデルと同等以上の高い予測精度を達成しています。



創薬プロセスを劇的に加速
コンピュータ上での絞り込みにより、実験コストの削減と開発スピードの向上を実現。



OpenFold3

× ソフトウェアの快適な動作に
お勧めのワークステーション



AlphaFold3向けPC選定のポイント

タンパク質の立体構造予測において、GPUの性能とVRAM（ビデオメモリ）の容量がそのまま「予測できるタンパク質の大きさ（アミノ酸残基数）」に直結。また高い精度で動作させるために過去に発見されたタンパク質や遺伝子の巨大なデータベースするためDドライブに高速なNVMeSSDが必須です。



基本仕様

- CPU : AMD Ryzen9 9950X3D
4.3-5.7GHz 16C/32T
- チップセット : AMD X870
- メモリ : 128GB (64GB×4)
DDR5 UDIMM
- OS : Ubuntu24.04 LTS
- SSD : SSD 1TB M.2 NVMe + 4TB M.2 NVMe
- GPU : NVIDIA RTX PRO 5000 Blackwell
48GB-GDDR7
- 電源 : 1200W (80PLUS Platinum認証)
- 標準保証 : ハードウェア1年間 (センドバック)

販売価格 お問い合わせください



基本仕様

- CPU : AMD Ryzen Threadripper Pro 9965WX
4.2-5.4GHz 24C/48T
- チップセット : AMD WRX90
- メモリ : 256GB (32GB×8)
DDR5-5600 ECC RDIMM
- OS : Ubuntu24.04 LTS
- SSD : SSD 1TB M.2 NVMe + 8TB M.2 NVMe
- GPU : NVIDIA RTX PRO 6000 Blackwell
96GB-GDDR7
- 電源 : 1200W (80PLUS Platinum認証)
- 標準保証 : ハードウェア3年間 (センドバック)

販売価格 お問い合わせください